

# Xây dựng các gói

với devtools CheatSheet



## Cấu trúc của gói

Một gói là một tập hợp các tập tin được sắp xếp trong các thư mục theo trật tự nhất định

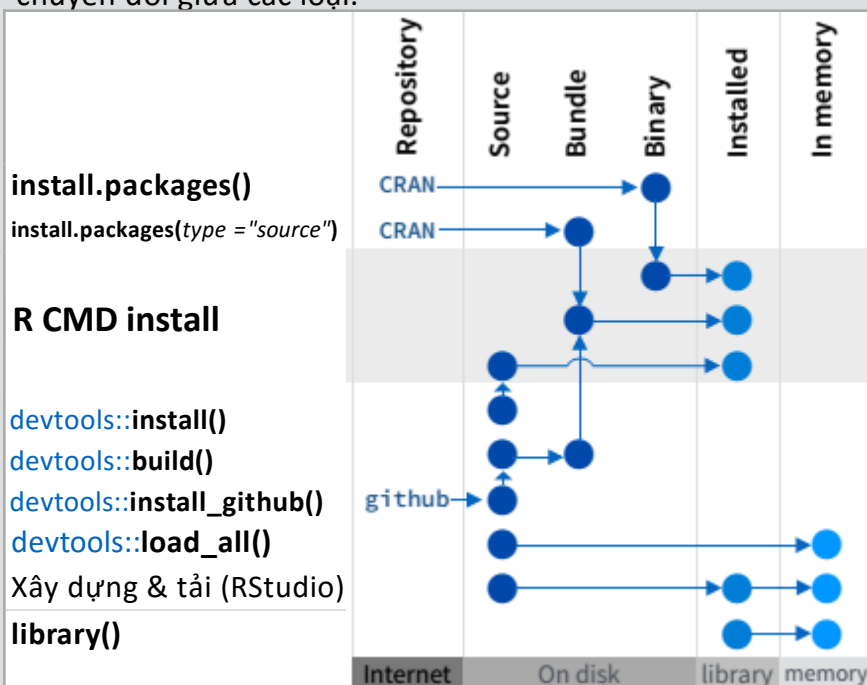
7 thành phần cơ bản của một gói (package) trên R:



Nội dung của một gói có thể được lưu trên ổ đĩa giống như:

- **source** – là một thư mục với các thư mục con (như trên)
- **bundle** – là một tập tin được nén lại (dạng .tar.gz)
- **binary** – là một tập tin được nén lại nhằm hỗ trợ cho một hệ điều hành xác định

Nội dung của 1 gói cũng có thể được tải về thư mục R library (được lưu trên bộ nhớ trong quá trình chạy R) hoặc được lưu online trong 1 kho lưu trữ. Sử dụng các hàm sau để chuyển đổi giữa các loại.



`devtools::add_build_ignore("file")`

Bổ sung tập tin về .Rbuildignore, một danh sách các tập tin sẽ không được đính kèm khi gói được xây dựng xong.

## Thiết lập (DESCRIPTION)

Tập tin DESCRIPTION mô tả thông tin về gói và thiết lập quan hệ giữa gói được tạo với các gói khác.

- Bắt buộc phải có tập tin Mô tả (DESCRIPTION)
- Bổ sung các gói cần phải sử dụng đi kèm

`devtools::use_package()`

Bổ sung một gói tới mục Nhập (Imports) (hoặc mục Gợi ý - Suggest) (nếu điều kiện thứ 2 là "Gợi ý - Suggest").

CCO	MIT	GPL-2
Không có chuỗi đính kèm	Giấy phép MIT được áp dụng cho code của bạn nếu được chia sẻ lại	Giấy phép GPL-2 được áp dụng cho code của bạn, và code của bất kỳ ai được đính kèm với nó khi chia sẻ lại.

```
Package: Tên của gói
Title: Tiêu đề của gói
Package Version: phiên bản của gói (vd: 0.1.0)
Authors@R: person("Hadley", "Wickham", email = "hadley@me.com", role = c("aut", "cre"))
Description: Tính năng của gói
Depends: R(>=3.1.0) - phiên bản của R
License: GPL-2 - thông tin về giấy phép sử dụng gói
```

```
LazyData: true
Imports:
  dplyr (>= 0.4.0),
  ggvis (>= 0.2)
Suggests:
  knitr (>= 0.1.0)
```

**Import** Nhập tên các gói đi kèm bắt buộc. R sẽ tải các gói này về khi tải gói của bạn.

**Suggest** Gợi ý các gói không phải là tối quan trọng với gói của bạn. Người dùng có thể tải các gói này theo nhu cầu riêng.

## Viết code (R/)

Tất cả code trên R trong một gói sẽ được lưu tại thư mục

R/. Dù chỉ với thư mục R/, một gói vẫn có thể hoạt động được

- Tạo một gói mới:

`devtools::create("Đường dẫn/đến/tên")`

Tạo một mẫu để phát triển thành một gói.

- Lưu code trong thư mục R/ dưới dạng tập tin(extension .R)

### Quy trình

1. Chỉnh sửa code
2. Tải code bằng cách

`devtools::load_all()`

Tải lại tất cả các tập tin đã được lưu trong thư mục R/ lên bộ nhớ.

**Ctrl/Cmd + Shift + L (phím tắt)**

Lưu tất cả các tập tin được mở sau đó gọi hàm `load_all()`.

3. Thử nghiệm câu lệnh trong giao diện của R (console).
4. Lặp lại quy trình trên.

- Thống nhất cách viết code: [r-pkgs.had.co.nz/r.html#style](http://r-pkgs.had.co.nz/r.html#style)
- Nhấp chuột vào 1 hàm rồi nhấn F2 để biết định nghĩa
- Tìm kiếm 1 hàm bằng phím tắt **Ctrl + .**

Tìm hiểu thêm tại [r-pkgs.had.co.nz](http://r-pkgs.had.co.nz)

## Kiểm tra (tests/)

Sử dụng thư mục tests/ để thực hiện Unit Test và kiểm tra lỗi trong các câu lệnh.

- Bổ sung thư mục tests/ và tải gói testthat với hàm `devtools::use_testthat()`  
Thiết lập gói để sử dụng các bài kiểm tra tự động từ testthat.

- Viết các test case bằng hàm `context()`, `test()` và kết quả kỳ vọng

- Lưu bài kiểm tra dưới dạng tập tin.R trong test/testthat/

### Quy trình

1. Sửa đổi code và kiểm tra
2. Kiểm tra code bằng cách:

`devtools::test()`

Chạy tất cả tests được lưu trong thư mục test/.

**Ctrl/Cmd+Shift+T**

**(phím tắt)**

3. Lặp lại cho đến khi hoàn thành tất cả các bài kiểm tra

expect_equal()	Có bằng với khoảng dung sai số nhỏ?
expect_identical()	Có bằng một cách chính xác?
expect_match()	khớp với chuỗi ký tự đã được xác định?
expect_output()	Có in kết quả đầu ra nhất định?
expect_message()	Có trình bày một thông điệp nhất định?
expect_warning()	Có trình bày một cảnh báo nhất định?
expect_error()	Có thông báo lỗi nhất định?
expect_is()	kết quả đầu ra có thừa hưởng từ một loại nào nhất định?
expect_false()	Có trả về giá trị SAI-FALSE?
expect_true()	Có trả về giá trị ĐÚNG-TRUE?

### Ví dụ

```
context("Arithmetic")

test_that("Math works", {
  expect_equal(1 + 1, 2)
  expect_equal(1 + 2, 3)
  expect_equal(1 + 3, 4)
})
```

## Tài liệu (man/)

Thư mục `man/` chứa tài liệu về các hàm và các trang hỗ trợ cho một gói

- ✓ Bên cạnh định nghĩa của hàm, ta có thể sử dụng roxygen để đặc tả từng hàm
- ✓ Đặc tả tên của từng tập dữ liệu được xuất ra
- ✓ Bổ sung các ví dụ cụ thể cho từng hàm

### Quy trình

1. Bổ sung chú giải với roxygen trong tập tin dạng.R
2. Chuyển đổi thông tin chú giải của roxygen thành tài liệu bằng cách

#### `devtools::document()`

Chuyển đổi chú giải của roxygen thành tập tin dạng .Rd và lưu trong thư mục `man/`. Builds NAMESPACE.

#### Ctrl/Cmd + Shift + D (phím tắt)

3. Mở trang hỗ trợ bằng dấu ? để xem trước tài liệu
4. Lặp lại quy trình

#### .Rd thẻ định dạng

<code>\email{name@foo.com}</code>	<code>\email{<a href="#">name@foo.com</a>}</code>
<code>\href{url}{display}</code>	<code>\href{url}{display}</code>
<code>\url{url}</code>	<code>\url{url}</code>
<code>\emph{italic text}</code>	<code>\emph{italic text}</code>
<code>\strong{bold text}</code>	<code>\strong{bold text}</code>
<code>\code{function(args)}</code>	<code>\code{function(args)}</code>
<code>\pkg{package}</code>	<code>\link[=dest]{display}</code>
<code>\dontrun{code}</code>	<code>\linkS4class{class}</code>
<code>\dontshow{code}</code>	<code>\code{\link{function}}</code>
<code>\donttest{code}</code>	<code>\code{\link[package]{function}}</code>
<code>\deqn{a + b (block)}</code>	<code>\tabular{lcr}{</code>
<code>\eqn{a + b (inline)}</code>	<code>  left \tab centered \tab right \cr</code>
	<code>  cell \tab cell \tab cell \cr</code>
	<code>}</code>

## Gói roxygen

Gói **roxygen** giúp ta viết tài liệu dưới dạng tập tin .R với cú pháp ngắn gọn.

- Bổ sung tài liệu roxygen dưới dạng chú giải bằng cách bắt đầu với dấu #.
- Đặt dòng chú giải ngay phía trên code định nghĩa các đối tượng được đặc tả.
- Đặt dấu @ roxygen (bên phải) sau dấu # để bổ sung một phần cụ thể trong tài liệu
- Không đánh dấu các dòng sẽ được sử dụng để tạo tiêu đề, mô tả, và các mục chi tiết (theo thứ tự đã đặt)

```
#' Bổ sung 2 số cùng nhau.
#'
#' @param x là biến số.
#' @param y là biến số.
#' @return trả về tổng của \code{x} và \code{y}.
#' @examples
#' add(1, 1)
#' @export
add <- function(x, y) {
  x + y
}
```

### Các thẻ phổ biến trong roxygen

@aliases	@inheritParams	@seealso
@concepts	@keywords	@format
@describeIn	@param	@source data
@examples	@rdname	@include
@export	@return	@slot S4
@family	@section	@field RC

## Dữ liệu (data/)

Thư mục `data/` cho phép đính kèm dữ liệu trong một gói

- ✓ Lưu dữ liệu trong 1 trong thư mục `data/`, `R/Sysdata.rda`, `inst/extdata`
- ✓ Luôn sử dụng `LazyData: true` trong tập tin Mô tả (DESCRIPTION)
- ✓ Lưu dữ liệu với định dạng .Rdata

#### `devtools::use_data()`

Thêm một đối tượng dữ liệu vào thư mục `data/` (`R/Sysdata.rda` nếu `internal = TRUE`)

#### `evtools::use_data_raw()`

Thêm một cú pháp R để làm sạch một tập dữ liệu vào thư mục `data-raw/`. Đính kèm thư mục `data-raw/` vào tập tin .Rbuildignore.

Lưu dữ liệu trong các thư mục

- `data/` cho phép dữ liệu sẵn sàng sử dụng
- `R/sysdata.rda` cho phép dữ liệu được sẵn sàng sử dụng khi gọi các hàm.
- `inst/extdata` cho phép dữ liệu được sẵn cho việc tải và đọc các ví dụ. Truy cập dữ liệu này bằng hàm `system.file()`

## Tổ chức (NAMESPACE)

Tập tin `NAMESPACE` giúp tạo một gói khép kín: gói này sẽ không tác động đến các gói khác và ngược lại

- ✓ Xuất các hàm cho người dùng bằng cách đặt `@export` trong chú giải với roxygen
- ✓ Nhập các đối tượng từ các gói khác bằng hàm `package::object` (nên dùng) hoặc `@import`, `@importFrom`, `@importClassesFrom`, `@importMethodsFrom` (không nên dùng)

### Quy trình

1. Chỉnh sửa code hoặc các bài kiểm tra (tests)
2. Mô tả gói (`devtools::document()`)
3. Kiểm tra NAMESPACE
4. Lặp lại cho tới khi NAMESPACE chính xác

## Xuất bản gói của bạn

[r-pkgs.had.co.nz/release.html](http://r-pkgs.had.co.nz/release.html)

## Dạy (vignettes/)

Thư mục `vignettes/` chứa các tài liệu hỗ trợ người dùng cách xử lý các vấn đề phân tích dữ liệu với gói của bạn

- ✓ Tạo thư mục `vignettes/` và một mẫu mô tả chi tiết với hàm `devtools::use_vignette()`  
Bổ sung mẫu dưới dạng `vignettes/tên.Rmd`.
- ✓ Kết nối tiêu đề YAML với tài liệu mô tả (xem ví dụ bên phải)
- ✓ Viết nội dung bản mô tả chi tiết trong R Markdown ([rmarkdown.rstudio.com](http://rmarkdown.rstudio.com))

```
---
title: "tiêu đề của Vignette"
author: "tác giả của Vignette"
date: "`r Sys.Date()`"
output: rmarkdown::html_vignette - kết quả đầu ra vignette: >
  %\VignetteIndexEntry{tiêu đề của Vignette}
  %\VignetteEngine{knitr::rmarkdown}
  \usepackage[utf8]{inputenc}
---
```